

## ביואינפורמטיקה/ת מנוסה לניתוח תוצאות המתקבלות מטכנולוגיות גנומיות

[היחידה לביואינפורמטיקה](#) מעניקה שירותי ייעוץ וניתוח נתונים לחוקרים וסטודנטים מאוניברסיטת בן-גוריון ומחוצה לה, וכן לחברות מכל רחבי הארץ, במטרה לסייע לקדם את המחקר בעזרת שיטות ביואינפורמטיקאיות מתקדמות. מועמדים מתאימים מוזמנים להצטרף לצוות מוכשר ונמרץ אשר נותן מענה לאתגרים מגוונים הנובעים משימוש בטכנולוגיות גנומיות כגון ריצוף עומק, אנליזות של תאים בודדים, פרוטאומיקה, מטבולומיקה ועוד.

הפרוייקטים המגיעים ליחידה הנם ממגוון רחב של תחומים בביולוגיה, ביוטכנולוגיה, חקלאות ורפואה, והצוות עובד יד ביד עם החוקרים משלב תכנון הניסוי ועד ניתוח ואינטרפרטציה של התוצאות, תוך התאמת האנליזה לשאלות המחקר הספציפיות. בנוסף, הצוות מפתח פייפליינים אוטומטיים לניתוח נתונים, על גבי פלטפורמה ידידותית שפותחה ביחידה לצורך אנליזות ביואינפורמטיות.

### תיאור התפקיד:

1. עזרה לחוקרים בתיכנון ניסויים גנומיים ופרוטאומיים רחבי היקף.
2. ניתוח תוצאות המתקבלות מטכנולוגיות גנומיות, החל משלב העיבוד המוקדם של הנתונים הגולמיים ועד אנליזות סטטיסטיות ופונקציונליות מתקדמות.
3. סקירה ולמידה מתמדת של הכלים החשובים הקיימים לניתוח תוצאות גנומיות, ובמידת הצורך פיתוח כלים לאוטומציה וייעול של תהליכי ניתוח הנתונים.
4. פיתוח ואימפלטציה של Workflows ממוחשבים לאנליזות גנומיות.
5. ייעוץ והדרכה באנליזות גנומיות לחוקרים וסטודנטים.

## דרישות התפקיד:

1. תואר שני או שלישי בביואינפורמטיקה, ביולוגיה חישובית, שילוב של מדעי המחשב וביולוגיה, או רקע מקביל.
2. ניסיון בעבודה בסביבת Linux.
3. ניסיון של 3 שנים לפחות בתיכנות, עדיפות לשפות פייתון ו-R.
4. ידע וניסיון באנליזות ביואינפורמטיות של נתוני High throughput sequencing – יתרון.
5. ידע וניסיון בביוסטטיסטיקה – יתרון.
6. מצויינות ועצמאות.
7. יכולת מעולה לעבודת צוות ויחסים בין-אישיים מצויינים.

למועמדים מצטיינים יוצע להצטרף למסלול עמיתי מחקר באוניברסיטת בן-גוריון.

נא לשלוח קורות חיים לד"ר ורד כספי, [veredcc@bgu.ac.il](mailto:veredcc@bgu.ac.il)

אודה מאד אם תעבירו את המייל הלאה.

The [Bioinformatics Core Facility](#) at NIBN, Ben-Gurion University, provides customized data analysis services and consultation to scientist from academia and industry, with the aim of advancing their research using cutting-edge bioinformatics methodologies. The projects we receive span a wide range of research areas in biology, biotechnology, agriculture and medicine.

We help with design, analysis and interpretation of genomic-scale experiments, involving, for example, next-generation sequencing (NGS), MAS-Spec proteomics and MAS-Spec metabolomics.

Job description:

- Helping scientists in planning and designing high-throughput experiments
- Analysis of experimental results, from initial analysis of the raw data to advanced statistical and functional analyses.
- Constant learning and evaluation of new analysis tools, and, if needed, development of new tools.
- Development and implementation of data analysis workflows.
- Consultation and training to researchers and students.

Requirements:

- M.Sc. or Ph.D. degree in bioinformatics, computational biology, biology with programming experience or equivalent background.
- Experience with Linux environment.
- At least 3 years of programming experience, preferably in Python and R.
- Experience with analysis of NGS data – an advantage.
- Background in biostatistics – an advantage.
- Excellence and independence.
- Excellent ability to work in a team and outstanding interpersonal skills.

**Suitable candidates will be offered a Research Associate position at Ben-Gurion University.**

Please send your CV to Dr. Vered Chalifa-Caspi, [veredcc@bgu.ac.il](mailto:veredcc@bgu.ac.il)



**Vered Chalifa-Caspi, Ph.D.**

Bioinformatics Core Facility, NIBN, Head  
Ben-Gurion University of the Negev, Beer-Sheva 84105, Israel  
Email: [veredcc@bgu.ac.il](mailto:veredcc@bgu.ac.il),

Tel: 08-6479034 054-7915969, Fax: 08-6479035

Building 41, room 239

<http://bioinfo.bgu.ac.il>